ANTRAG AUF MOLEKULARPATHOLOGISCHE BEGUTACHTUNG

Prof. Dr. med. Dipl. Phys. Frederick Klauschen
Direktor des Pathologischen Instituts der LMU München

Institut Campus Großhadern
Marchioninistr. 68, 81377 München
Telefon (089) 2180 - 76602
Telefax (089) 2180 - 76605
Rohrpost 4203

Barcode Pathologie

Institut Campus Innenstadt
Thalkirchner Str. 36, 80337 München
Telefon (089) 2180 - 73611
Telefax (089) 2180 - 73742
PATHO.Auftrag@med.uni-muenchen.de
www.pathologie.med.uni-muenchen.de

Krankenkasse

Name d. Versicherten | Vorname | geb. am

Name d. Patienten/In | Vorname | geb. am

Anschrift d. Versicherten (Straße, Hausnummer)

PLZ | Wohnort

Bitte hier **Patienten-BARCODE** aufkleben –
Klinikum der Universität München

❑ ambulant ❑ stationär

Abrechnung mit
❑ Klinik
❑ Patient (Selbstzahler, privat: mit Einverst. d. Pat.)
❑ Sonstige (Bundeswehr, BG, …)

Einsender (Stempel, Unterschrift)

Anforderung

❑ Molekulares Tumorboard *(→ S.2)*

Organ/Erkrankung:

OP/ Biopsiedatum:

Tumormaterial: ❑ Gewebe
❑ Liquid Biopsy

Journalnummer Pathologie LMU (sofern bekannt):

Klinische Information:

❑ Primäranalyse ❑ Resistenz: Linie _____

	Biomarker / vorbekannte Mutation	*Therapeutikum*
❶	_____	_____
❷	_____	_____

Einzel-Gen/ Protein-Analyse

Solide Tumoren

❑ **A**KT1-Mutationsanalyse (E17K)
❑ ALK-Status:
  ❑ Expression (IHC)
  ❑ Gen-Fusion (RNA)
❑ AR-Expression (IHC)
❑ **B**RAF-Mutationsanalyse
❑ **C**TNNB1-Mutationsanalyse (β-Catenin)
❑ **D**ICER1/FOXL2-Mutationsanalyse
❑ **E**GFR-Expression
❑ EGFR-Mutationsanalyse
  ❑ NSCLC IB-IIIA (Ex19 del,L858R)
  ❑ Resistenz (T790M)
❑ ER/PR-Expression
❑ ESR1-Mutationsanalyse
❑ **F**GFR2 Gen-Fusion (RNA)
❑ **H**er2/neu-Status (IHC/FiSH)
❑ **K**IT/PDGFRA-Mutationsanalyse
❑ **M**ikrosatelliteninstabilität:
  ❑ MMRD (IHC) ❑ MSI (PCR)
❑ **N**TRK1-3 Gen Fusion (RNA)
❑ **P**D-L1-Expression (IHC)
❑ POLE-Mutationsanalyse
❑ PIK3CA-Mutationsanalyse
❑ **R**AS-Mutationsanalyse(gesamt)
  ❑ nur KRAS ❑ nur NRAS
❑ RET-Mutationsanalyse
  ❑ Gen-Fusion ❑ Translokation
❑ ROS1
  ❑ Gen-Fusion ❑ Translokation

Myeloische Neoplasien

❑ **C**ALR-Mutationsanalyse
❑ CSF3R-Mutationsanalyse
❑ **J**AK2-Mutationsanalyse
❑ **K**IT-Mutationsanalyse
❑ **M**PL-Mutationsanalyse
❑ **S**F3B1-Mutationsanalyse
❑ SRSF2-Mutationsanalyse

Lymphatische Neoplasien

❑ **B**CL2-Translokation
❑ BCL6-Translokation
❑ **E**ZH2-Mutationsanalyse
❑ **K**lonalität
  ❑ *IgH* ❑ *IgL* ❑ *TCRB* ❑ *TCRG*
❑ **M**YC-Translokation
❑ MYD88-Mutationsanalyse

Multigen-Analysen und Unterschrift folgen auf Seite 2 →

ANTRAG AUF MOLEKULARPATHOLOGISCHE BEGUTACHTUNG

Prof. Dr. med. Dipl. Phys. Frederick Klauschen

Direktor des Pathologischen Instituts der LMU München

Multigen-Analyse (NGS)

❑ **Umfangreiche Multigen-NGS-Analyse (MTB-Panel)** • bis zu 520 Genen (DNA: SNV, del, ins, delins, dup, CNV) • Gen-Fusionen (RNA) • Signaturen: MSI, TMB	TSO500 DNA	RNA TST170
❑ **Fokussierte Multigen-NGS-Analyse** • für zugelassene zielgerichtete Therapien und Studieneinschlüsse • DNA 33 Gene, RNA 17 Gene	Archer Panel DNA AKT1, ALK, BRAF, CTNNB1, CUL3, EGFR, ERBB2 (HER2), ESR1, FGFR1-4, HRAS, IDH1, IDH2, KEAP1, KRAS, MAP2K1 (MEK1), MET, NFE2L2, NRAS, NTRK1-3, PIK3CA, PTEN, PIK3R1, RB1, RET, ROS1, SMARCA4, STK11, TP53	Archer Lung RNA ALK, BRAF, EGFR, ERBB2, FGFR1-3, KRAS, MET, NRG1, NTRK1-3, NUTM1, PIK3CA, RET, ROS1
❑ **LiquidPlex-Panel** • für Liquid Biopsy und zugelassene zielgerichtete Therapien • DNA 28 Gene	Archer Panel ct (circulating tumor) DNA AKT1, ALK, AR, BRAF, CTNNB1, EGFR, ERBB2, ERBB3, ESR1 (Exon 5, 7, 8), FGFR1, FGFR2, FGFR3, HRAS, IDH1, IDH2, KIT (Exon 11), KRAS, MAP2K1, MET, NRAS, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFRA, PIK3CA, RET, ROS1, TP53 **CNV**: AR, BRAF, CDK6, EGFR, ERBB2, ERBB3, FGFR1, FGFR2, FGFR3, MET	
❑ **Pan Solid-Panel** (Genfusionen in soliden Tumoren inkl. Sarkomdiagnostik) • Gen-Fusionen (RNA, 137 Gene)	Archer Pan Solid Tumor v2 Panel RNA AKT1, AKT2, AKT3, ALK, AR, ARHGAP26, ARHGAP6, AXL, BCOR, BRAF, BRD3, BRD4, CAMTA1, CCNB3, CCND1, CD274, CIC, CRTC1, CSF1, CSF1R, CTNNB1, CVR2A, DNAJB1, EGF, EGFR, EPC1, ERBB2, ERBB4, ERG, ESR1, ESRRA, ETV1, ETV4, ETV5, ETV6, EWSR1, FGF1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGR, FOS, FOSB, FOXO1, FOXO4, FOXR2, FUS, GLI1, GRB7, HMGA2, HRAS, IDH1, IDH2, IGF1R, INSR, JAK2, JAK3, JAZF1, KIT, KRAS, MAML2, MAP2K1, MAST1, MAST2, MBTD1, MDM2, MEAF6, MET, MGEA5, MKL2, MN1 , MSMB, MUSK, MYB, MYBL1, MYC, MYOD1, NCOA1, NCOA2, NCOA3, NFATC2, NFE2L2, NFIB, NOTCH1, NOTCH2, NR4A3, NRAS, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, NUMBL, NUTM1, PAX3, PAX8, PDGFB, PDGFD, PDGFRA, PDGFRB, PHF1, PHKB, PIK3CA, PKN1, PLAG1, PPARG, PRDM10, PRKACA, PRKACB, PRKCA, PRKCB, PRKCD, PRKD1, PRKD2, PRKD3, RAD51B, RAF1, RELA, RET, ROS1, RSPO2, RSPO3, SS18, SS18L1, STAT6, TAF15, TCF12, TERT, TFE3, TFEB, TFG, THADA, TMPRSS2, USP6, VGLL2, WWTR1, YAP1, YWHAE	
❑ **HRD (homologous recombination deficiency)** • BRCA1 und BRCA2-Gene • HRD-Kombinationsscore: LOH, LST, TAI	TSO500 HRD - *verwendet Myriad MyChoice Algorithmus*	
❑ **BRCA1/2-Mutationsanalyse** (ohne HRD)	Archer BRCAv3 Panel DNA	
❑ **gemäß ALASCCA (AKT1, PIK3CA, PIK3R1, PTEN)**	Archer Panel DNA	
❑ **Sonderanforderung:**	Anfragen: ☎ 089-2180 - 73630 (*Prof. Dr. Andreas Jung*) - 73694 (*PD Dr. Jörg Kumbrink*) ✉ molpatho@med.uni-muenchen.de	

Voraussetzungen für Vorstellung im Molekularen Tumorboard (MTB) des CCCM LMU:
http://www.klinikum.uni-muenchen.de/CCC-Muenchen/de/Aerzte/tumorboards/MTB/Patientenanmeldung/index.html

- Patient wurde bereits im organspezifischen Tumorboard diskutiert, Vorstellung im MTB wurde empfohlen.
- Anmeldung beim Koordinator MTB: e-mail an MTB@med.uni-muenchen.de
  Zusammen mit ❶ letztem Tumorboard-Beschluss, ❷ Histologie, ❸ aktuellem Arzt-/Verlaufsbericht
- Patient kommt für experimentellen Therapieansatz in Frage und ist dazu bereit.

Datum	Unterschrift	Name in Druckbuchstaben/ Stempel	Telefon/ Funk für Rückfragen

Bitte leserlich und vollständig – insbes. Name und Telefonnummer – ausfüllen, um zeitnahe Nachfragen zu ermöglichen.

ab hier von der Pathologie auszufüllen: