

Diagnostische Multigen-Sequenzierung

Modellvorhaben Genomsequenzierung

Prof. Dr. med. Frederick Klauschen

Direktor des Pathologischen Instituts der LMU München

Pathologisches Institut der LMU
Thalkirchnerstr. 36
80337 München

Telefon (089) 2180 - 73611
Telefax (089) 2180 - 73727
Rohrpost 4203 (GH)
PATHO.Auftrag@med.uni-muenchen.de

Barcode
Pathologie

www.pathologie.med.uni-muenchen.de

Krankenkasse		
Name d. Versicherten	Vorname	geb. am
Name d. Patienten/In	Vorname	geb. am
Anschrift d. Versicherten (Straße, Hausnummer)		
PLZ	Wohnort	

<input type="checkbox"/> ambulant	<input type="checkbox"/> stationär
Diagnose/Tumortyp:	

Bitte hier Patienten-BARCODE aufkleben – Klinikum der Universität München

Einsender (Stempel, Unterschrift)

Material zur Diagnostik:

Tumor:

- Gewebe (FFPE oder Frischgewebe)
- EDTA Blut
- DNA (Puffer: _____ Konzentration: _____) (SNP/STR-Profil liefern)

Keimbahnkontrolle:

- EDTA Blut (Standard)
- Nagelmaterial (bei hämatologischen Neoplasien)

Bei Verwendung von Archivmaterial

Journalnummer Pathologie LMU (sofern bekannt):

Voraussetzungen für Durchführung der Diagnostik im Modellvorhaben nach §64e:

- Erfüllung der Einschlusskriterien wurde im Indikationsboard festgestellt.
Beschluss inkl. Einwilligung gemäß GenDG muss beiliegen, ansonsten kann die Diagnostik nicht durchgeführt werden!

Sequenzierverfahren: [sofern bereits festgelegt]

- Umfangreiche Multigen-NGS-Analyse („Großes Panel“)
- Whole Exome Sequencing (WES)
- Whole Genome Sequencing (WGS)

Kommentare:

Datum

Unterschrift

Name in Druckbuchstaben/ Stempel

Telefon/ Funk für Rückfragen